

**OFERTA DE CONTRATO:** Ref 2404/07

**ÁREA DE INVESTIGACION:** CANCER

**Proyecto de Investigación:** "PROGRAMA FORTALECE i+12"

**Investigador Responsable:** Dr. Luis Paz-Ares Rodríguez

**Entidad financiadora:** Entidad Pública

**Área 1.Grupo I. Investigador Adjunto**

Investigadores con título de doctor, cuyo trabajo consistirá en la realización de tareas de investigación orientadas a la obtención de un elevado perfeccionamiento y especialización profesional, participando en líneas y/o proyectos de investigación, respondiendo ante el responsable del grupo o unidad, si existiese, o, en su defecto ante el director científico. Así como aquellos que prestan servicios científico-técnicos a la comunidad investigadora como responsables o integrantes de plataformas o servicios de apoyo a la investigación, o directamente en los grupos de investigación. Las funciones a realizar son:

- Análisis genómicos: detección, filtrado e interpretación de variantes somáticas y de variación en el número de copias.
- Análisis transcriptómicos: cuantificación de expresión génica, análisis de expresión diferencial, análisis de enriquecimiento funcional y de rutas.
- Análisis de firmas: mutacionales, de número de copias y de expresión.
- Diseño, desarrollo e implantación de pipelines bioinformáticos capaces de llevar a cabo los distintos tipos de análisis mencionados de forma automatizada, eficiente y reproducible.
- Visualización de datos y análisis estadísticos adaptados a cada proyecto.

## **REQUERIMIENTOS**

**Titulación académica** Doctorado en Ciencias de la Salud

**Formación específica** Master en Bioinformática y Biología Computacional

**Experiencia Previa** Experiencia como bioinformático en el área de la oncología en el entorno traslacional y clínico. Desarrollo de nuevos métodos computacionales para el análisis de datos de secuenciación masiva de tumores. Diseño e implementación de pipelines de análisis de datos ómicos. Almacenamiento y gestión de datos. Uso de entornos Unix, línea de comandos y R/Python. Experiencia en el uso regular de software de control de versiones y reproducibilidad. Nivel avanzado de visualización de resultados y análisis estadísticos personalizados.

Estancias en grupos de investigación extranjeros. Formación específica en áreas de la bioinformática, biología computacional, genómica del cáncer, biología de sistemas, estadística

**Publicaciones y/o comunicaciones a congresos:** Publicaciones en revistas de alto impacto y participación en congresos internacionales con pósters o charlas (EACR, AACR, ISCB, ECCB...).

**Herramientas informáticas** R, python, bash, R Markdown, git, conda, docker, nextflow, Bioconductor, VarSome, TCGA, cBioPortal, COSMIC, ANNOVAR, gnomAD, ICGC, TumorPortal, EMBL, UCSC, MSK-IMPACT, CGI

**Idiomas** Inglés medio

**DURACIÓN** Según proyecto

**DOCUMENTACION Y ENTREGA**

Currículum Vitae (en español) adaptado a los requisitos de la oferta, fotocopia DNI, fotocopia de titulación. Envío de la documentación a rhh@h12o.es indicando de manera expresa el número de referencia de la oferta.

**PLAZO**

Hasta el 19 de abril de 2024

El resultado de esta oferta se publicará en el tablón de anuncios del I+12